

# CONDITYPE 疾病風險基因檢測

Genetic Testing for Disease Risk

基因檢測導向 疾病及早預防



洞悉疾病風險 預見健康未來  
DISEASE CARE FOR YOUR TYPE

## 疾病風險可預測

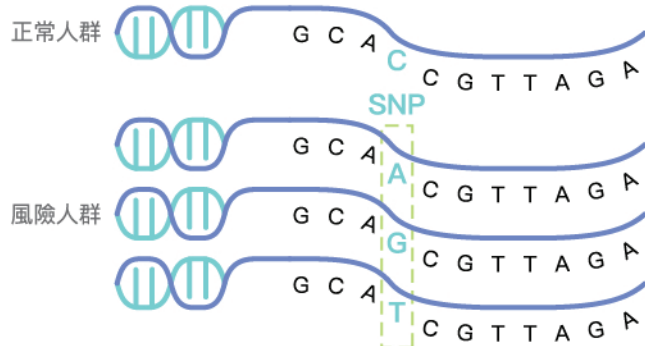
生活於同一環境下，為什麼兩個人患上同一疾病的風險會不一樣？答案就是基因。有很多疾病都是遺傳與環境因素相互作用下的結果。每個人都從父母身上遺傳了一套特有的基因，不同的基因型對環境因素的反應都不同。所以，我們的基因型決定了我們的體質及身體的反應，從而使我們對疾病的傾向性產生差異。高風險或敏感的基因型在環境因素的作用下可能會容易引起某種疾病發生。

CondiType疾病風險基因檢測幫助你及早了解自身基因，根據你攜帶的基因型，提示你患上相關疾病的風險或傾向性，提供生活及預防建議，協助你定制針對性的健康方案，減低患病的可能性，展開個人健康生活。

## 每個人的疾病風險都不同

人與人之間的基因約有99.9%是相同的，但有0.1%不同，這0.1%稱為SNP位點 (Single Nucleotide Polymorphism)。而SNP的不同會導致有些人比正常人群有更高風險罹患某種疾病。

### 什麼是SNP?



SNP 位點，改變了原有基因的序列，一些 SNP 與疾病風險有密切關係。

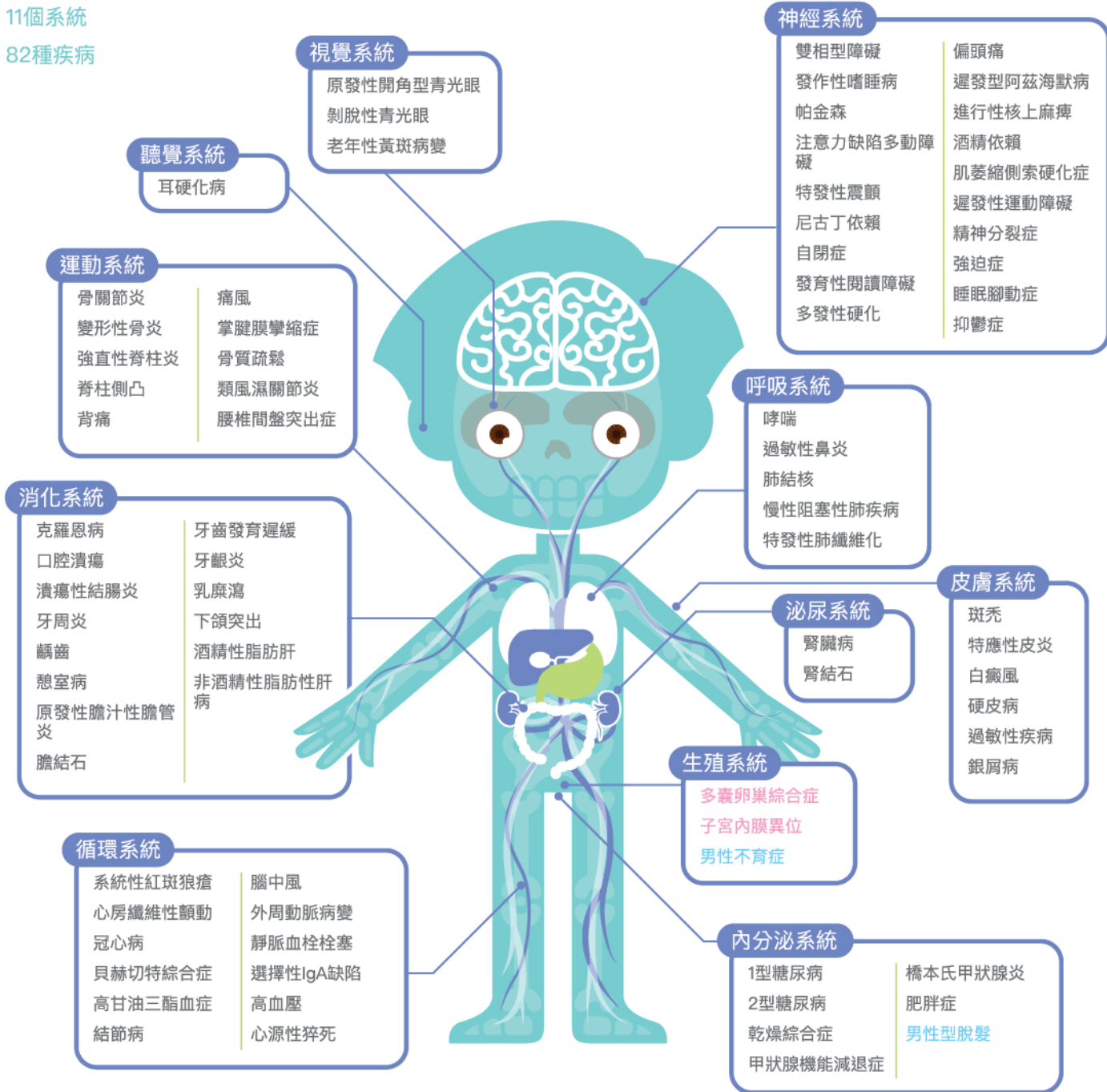
## 產品優勢

- ✓簡單：6mL血液樣品，或口腔細胞
- ✓全面：檢測全身11個系統，82種不同疾病的風險
- ✓專業：
  - 檢測個人疾病風險相關的基因型
  - 提示與正常人群比較的相關疾病風險
  - 提供健康生活建議，協助減低高風險人群患相關疾病風險

# 檢測內容

11個系統

82種疾病



## 適合對象

- 所有關注健康人士
- 擔心自己是疾病高風險人群人士
- 有不良生活習慣或污染環境中生活的人士
- 希望及早預防疾病發生人士
- 擔心自身攜帶疾病基因的人士

## 樣品需求

- 3–6mL血液(EDTA管)；或
- 口腔細胞

## 報告周期

- 25–30個工作日

## 檢測流程



## 參考文獻

1. Ferreira MA, O'Donovan MC, Meng YA, et al. Collaborative genome-wide association analysis supports a role for ANK3 and CACNA1C in bipolar disorder. *Nat Genet.* 2008;40(9):1056–1058.
2. Peyron C, Faraco J, Rogers W et al. A mutation in a case of early onset narcolepsy and a generalized absence of hypocretin peptides in human narcoleptic brains. *Nat Med.* 2000;6(9):991–997.
3. Simón-Sánchez J, Schulte C, Bras J et al. Genome-wide association study reveals genetic risk underlying Parkinson's disease. *Nat Genet.* 2009;41(12):1308–1312.
4. Pihlström L, Blauwendraat C, Cappelletti C et al. A comprehensive analysis of SNCA-related genetic risk in sporadic parkinson disease. *Ann Neurol.* 2018;84(1):117–129.
5. Ma D, Salyakina D, Jaworski J et al. A Genome-wide Association Study of Autism Reveals a Common Novel Risk Locus at 5p14.1. *Ann Hum Genet.* 2009;73(3):263–273.
6. Meta-analysis of GWAS of over 16,000 individuals with autism spectrum disorder highlights a novel locus at 10q24.32 and a significant overlap with schizophrenia. *Mol Autism.* 2017;8(1).
7. Aulchenko Y, Hoppenbrouwers I, Ramagopalan S et al. Genetic variation in the KIF1B locus influences susceptibility to multiple sclerosis. *Nat Genet.* 2008;40(12):1402–1403.
8. Rademakers R, Eriksen JL, Baker M, et al. Common variation in the miR-659 binding-site of GRN is a major risk factor for TDP43-positive frontotemporal dementia. *Hum Mol Genet.* 2008;17(23):3631–3642.
9. Treutlein J, Cichon S, Ridinger M et al. Genome-wide Association Study of Alcohol Dependence. *Arch Gen Psychiatry.* 2009;66(7):773. .



[www.idnarc.com](http://www.idnarc.com)

香港尖沙咀山道7號漢國佐敦中心16樓  
16/F, Hon Kwok Jordan Centre, 7 Hillwood Road, Tsim Sha Tsui, HK

Tel: (852)3618 9124